

О Т З Ы В

на автореферат диссертации Коминой Алины Константиновны «Генетическое разнообразие и биологические свойства парвовирусов свиней, циркулирующих на территории Российской Федерации», представленной к защите на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальностям 4.2.3 – Инфекционные болезни и иммунология животных и 1.5.10 – Вирусология

Актуальность темы. В современном отечественном промышленном свиноводстве в качестве серьезного препятствия устойчивому развитию отрасли выступают многообразные инфекционные патологии. К ним относятся и парвовирусная инфекция (ПВИС), достаточно широко распространенная в нашей стране и за рубежом. Ее возбудителем признан парвовирус свиней 1 вида (ПВС1). Внутри него обнаружены и антигенные разновидности. Не против всех из них имеющиеся вакцины оказываются эффективными. Кроме того, зарубежные литературные данные свидетельствуют о наличии еще 7 новых видов вируса (ПВС 2-8), патогенный потенциал которых на данный момент окончательно не доказан. Если вести речь о масштабах распространения ПВС и его видов, их генетическом разнообразии, то современная информация на этот счет в РФ, в отличие от ряда зарубежных стран, отсутствует.

В этой связи диссертационные исследования Коминой А.К. посвященные изучению распространенности, молекулярно-генетических и биологических свойств парвовирусов свиней, циркулирующих в популяции домашних свиней и в стадах диких кабанов Российской Федерации, являются актуальными и в научном, и в практическом отношении.

Научная и практическая значимость полученных результатов.

Получены новые данные, характеризующие современную распространенность ПВС1 в условиях свиноводческих хозяйств и среди диких кабанов в 18 регионах РФ в 2021-2025 гг. Установлено, что его изоляты имеют 24 полные нуклеотидные последовательности 2-й открытой рамки считывания (ОРС2), кодирующей капсидный белок VP1, а также принадлежат к двум кластерам: PPV1b (27a-подобные штаммы) и PPV1d (Kresse-подобные штаммы).

Впервые на территории РФ доказана циркуляция среди домашних и диких свиней шести новых видов парвовирусов (ПВС2-ПВС7), а также получены нуклеотидные последовательности генов их капсидных белков.

Получены новые данные о выделении в культурах клеток полевых изолятов «PPV5-Moscow-4060» (ПВС5) и «PPV6-Kem-8» (ПВС6) и характеристиках их биологических свойств.

Вышеперечисленные новые научные данные принципиально важны в дальнейших научных исследованиях по указанной проблеме, а также имеют большое практическое значение в противоэпизоотической работе.

Установленные нуклеотидные последовательности ОРС2 от 41 изолята ПВС1-ПВС7 опубликованы в международной базе данных GenBank, что имеет большую значимость для проведения филогенетического и филодинамического анализов, а также для разработки диагностических тест-систем.

Штаммы «PPV5-Moscow-4060» (ПВС5) и «PPV6-Kem-8» (ПВС6) депонированы во «Всероссийскую коллекцию патогенных и вакцинных штаммов микроорганизмов – возбудителей инфекционных болезней животных ФГБНУ ФНЦ ВИЭВ РАН» в качестве референсных штаммов для разработки вакцинных препаратов и диагностических тест-систем и изучения биологических свойств парвовирусов свиней.

Достоверность и обоснованность сформулированных соискателем основных положений диссертации сомнений не вызывает. Материалы диссертации достаточно апробированы в научной печати (4 публикации, в том числе 1 – в ВАКовском журнале, 3 – в изданиях, индексируемых базой Scopus), а также на X международной конференции молодых учёных OpenBio: биоинформатиков, биотехнологов, биофизиков, вирусологов и молекулярных биологов (Научград Кольцово, 2023 г.) и 28-ой Пущинской школе-конференции «БИОЛОГИЯ – НАУКА XXI ВЕКА» (г. Пущино, 2025 г.).

Основные положения, выводы, и предложения, представленные в диссертации, не противоречат цели и задачам работы.

Вх. № 60

15 мая 2026 г.

В процессе изучения автореферата возникли критические соображения:

- первый вывод декларативен по формулировке, не содержит цифровой конкретики и поэтому в научном отношении недостаточно информативен;
- недостаточно информативен и шестой вывод, декларативный и лаконичный по формулировке, сообщающий только о факте отнесения на основе филогенетического анализа нуклеотидных последовательностей ОРС2 выделенных изолятов ПВС2-ПВС7 к различнымкладам и никак не комментирующий этот факт.

Заключение

Диссертация Коминой А.К. на тему «Генетическое разнообразие и биологические свойства парвовирусов свиней, циркулирующих на территории Российской Федерации» представляет собой самостоятельную законченную научно-квалификационную работу, содержащую результаты, имеющие большое научное и практическое значение. Актуальность, достаточный объем проведенных исследований, объективность, современный методический уровень, научная и практическая значимость полученных результатов свидетельствуют о соответствии работы требованиям п. 9 «Положения о присуждении ученых степеней» от 24.09.2013 г. №842, предъявляемым к кандидатским диссертациям, а ее автор Комина Алина Константиновна заслуживает присуждения ученой степени кандидата биологических наук по специальностям 4.2.3 – Инфекционные болезни и иммунология животных и 1.5.10 – Вирусология.

Зав. кафедрой инфекционных и
инвазионных болезней
Института ветеринарной
медицины и биотехнологии
ФГБОУ ВО Университет биотехнологий,
доктор ветеринарных наук

Алеся Сергеевна Димова

Почтовый адрес: 630039, г. Новосибирск,
ул. Никитина, 155 (новый корпус)
Федеральное государственное бюджетное образовательное учреждение высшего образования
«Сибирский государственный университет инженерии и биотехнологий»,
Институт ветеринарной медицины и биотехнологии,
Кафедра инфекционных и инвазионных болезней
Тел. (383) 267-09-07, 267-03-57
E-mail: kaf.iib@mail.ru

Подпись А.С. Димовой заверяю:

